

# CENTRUM ZASTOSOWAŃ MATEMATYKI

INSTYTUT MATEMATYCZNY

POLSKIEJ AKADEMII NAUK

Warszawa, ul. Śniadeckich 8, IV piętro, sala 403

Seminarium

## BIOLOGIA OBLICZENIOWA

Poniedziałek, 8 stycznia 2007

Program seminarium poświęcony będzie w całości referatom związanym z grantem zamawianym MNiSzW „Proteomika i genomika strukturalna”

### Część I (14.00 – 15.05)

- 14.00 M. Dadlez: Przypomnienie zadań i oczekiwanych wyników projektu — część projektu realizowana przez IBB/MIMUW (zadania 7–11)
- 14.05 J. Poznański: Program analizy ilościowej danych MS (zadania 7, 9, 10)
- 14.50 T. Rubel: Program analizy jakościowej widm MS (zadanie 8)

### Część II (15.10 – 16.00)

- 15.10 A. Gambin: Narzędzia algorytmiczne dla interpretacji i złożonych widm spektrometrycznych (zadanie 11)
- 15.25 J. M. Bujnicki: Przypomnienie zadań i oczekiwanych wyników projektu — część projektu realizowana przez IIMCB/WChUW (zadania 1–6)
- 15.30 M. Bochtler: Minimal models for molecular replacement (zadania 1, 2)

### Część III (16.05 – 17.15)

- 16.05 A. Koliński: Oprogramowanie do generowania dużych zbiorów alternatywnych modeli i do budowy modeli z użyciem więzów specyficznych i niespecyficznych (zadania 3, 4)
- 16.35 J. M. Bujnicki: Narzędzia do identyfikacji modeli zgodnych z danymi doświadczalnymi i zintegrowany system do budowy i selekcji modeli z użyciem różnorodnych danych doświadczalnych (zadania 5, 6)
- 17.05 J. M. Bujnicki: podsumowanie
- 17.15 ciastka z kawą/herbatą